

Dr. Sakshi Bharti

Scientific AI, Bioinformatik, Data Operations und Healthcare Innovation

Frankfurt/Rhein-Main, Deutschland

sbinfo90@gmail.com

[linkedin.com/in/sakshibsharma](https://www.linkedin.com/in/sakshibsharma)

github.com/sakshianil

Arbeiterlaubnis in Deutschland

PROFIL

Promovierte Bioinformatikerin und Systems-Biology-Expertin mit Erfahrung an der Schnittstelle von Life-Science-Forschung, AI-gestütztem Workflow-Design, Datenanalyse, Startup Operations und businessnaher Umsetzung. Erfahrung in Computational Biology, Omics-Workflows, SQL/C#/Python/R/SAS-Datenarbeit, wissenschaftlicher Dokumentation, B2B-Kommunikation und praktischer Automatisierung. Offen für Rollen in Bioinformatik, klinischen oder wissenschaftlichen Daten, AI Automation, Research Operations, Product Operations, kundenorientierter wissenschaftlicher Technologie und Healthcare Innovation.

KERNKOMPETENZEN

Bioinformatik

Systems Biology

Scientific AI

RAG und Agents

SQL / C# / Python / R / SAS

SDTM / ADaM / TLF Konzepte

Business Intelligence

Startup Operations

B2B-Kommunikation

Technische Dokumentation

BERUFSERFAHRUNG

Chief Operating Officer, Bioinformatics and AI Operations | Aomics GmbH

Deutschland | Teilzeit | 2020-heute

- Unterstützung von Operations, Strategie und funktionsübergreifender Umsetzung in einem Startup an der Schnittstelle von Bioinformatik, AI und Life Sciences.
- Mitwirkung an B2B Sales und Business Development durch Opportunity Research, Kundenkommunikation, Service Positioning, Angebotskoordination und Follow-up.
- Umsetzung von Datenbankmanagement- und Business-Intelligence-Analytics-Services mit SQL und C# für Reporting- und Entscheidungsworkflows.
- Übersetzung wissenschaftlicher und technischer Fähigkeiten in klaren Business Value, Dokumentation, Implementierungspläne und AI-gestützte Workflow-Konzepte.

Gastwissenschaftlerin / Doktorandin | Senckenberg BIK-F und Goethe-Universität Frankfurt

Frankfurt am Main, Deutschland | 2017-2026

- Promotion in Biologie und Bioinformatik mit Fokus auf Oomyceten-Promotorregulation und computergestützte biologische Analyse.
- Design, Durchführung und Dokumentation reproduzierbarer Workflows mit Sequenzdaten, biologischer Interpretation, Literaturrecherche und wissenschaftlichem Reporting.
- Aufbau starker Kompetenzen in Forschungsplanung, qualitätsbewusstem Datenhandling, wissenschaftlichem Schreiben, Stakeholder-Kollaboration und Präsentation komplexer Ergebnisse.

Research Associate | Punjab Agricultural University, Department of Agriculture

Punjab, Indien | 2014-2016

- Unterstützung der Oil-seeds Research Group bei Forschungsadministration, Umsetzung und computergestützter Analyse von Brassica-Omics-Datensätzen.
- Aufbau analytischer Pipelines für große NGS- und Omics-Datensätze, inklusive Datensammlung, Bereinigung, Integration und Management.
- Entwicklung von R/Python-Workflows, Ausführung auf High-Memory-Servern und Zusammenarbeit mit Pflanzenzüchtern, Molekularbiologen und experimentellen Teams.

- Aufbau einer wellnessorientierten Plattform mit Positionierung, Supplier Outreach, Kundenkommunikation, Events, Content und operativer Umsetzung.

AUSGEWÄHLTE PROJEKTE

- **Clinical Data Pilot:** SDTM Mapping, ADaM Vorbereitung, TLF-Konzepte, SAS/R-Workflows und Quality Checks.
- **AI/RAG Workflows:** Document Retrieval, Embeddings, Vector-Database-Konzepte, LangChain/LangGraph Konzepte, Streamlit- und Gradio-Prototypen.
- **GitHub Workshops:** Einsteigerfreundliche Materialien für reproduzierbares Programmieren und versionierte Workflows.
- **SentinelMesh AI:** Cybersecurity-AI-Gruppenprojekt mit agentenbasierter Analyse, RAG-Architektur und deployter Demo.

AUSBILDUNG

PhD, Biologie / Bioinformatik

Goethe-Universität Frankfurt und Senckenberg BIK-F, Deutschland | 2017-2026

MSc, Systems Biology and Bioinformatics

Panjab University, Indien | 2011-2013

BSc (Hons), Bioinformatics

Panjab University, Indien | 2008-2011

Diplom, Nutrition and Public Health

IGNOU, Indien | 2016-2017

TOOLS UND KOMMUNIKATION

Technisch: Python, R, SAS, SQL, C#, JavaScript Grundlagen, PostgreSQL, Git/GitHub, Jupyter/Colab, Markdown, LangChain, LangGraph Konzepte, OpenRouter, Hugging Face Tools, Tavily, Gradio, Streamlit, n8n, Google Sheets und Gmail Automatisierung.

Domänen: Bioinformatik, Molekularbiologie, Promotorregulation, Sequenzanalyse, Omics Workflows, klinische Datenkonzepte, Business Intelligence, Startup Operations, wissenschaftliches Schreiben und technische Dokumentation.

Sprachen: Englisch fließend; Deutsch B1 zertifiziert und Ausbau Richtung B2; Hindi/Punjabi muttersprachlich oder professionelle Arbeitssprache.